

# Alfa-talasemie u 45 českých rodin a 37 rodin cizinců žijících v České republice: přehled literatury a molekulárně-genetická diagnostika

Divoká M.<sup>1</sup>, Partschová M.<sup>2</sup>, Pospíšilová D.<sup>3</sup>, Orviská M.<sup>1</sup>, Lapčíková A.<sup>1</sup>, Indrák K.<sup>1</sup>, Čermák J.<sup>4</sup>, Divoký V.<sup>1,2</sup>

<sup>1</sup>Hemato-onkologická klinika, Lékařská fakulta Univerzity Palackého a Fakultní nemocnice Olomouc

<sup>2</sup>Ústav biologie, Lékařská fakulta Univerzity Palackého v Olomouci

<sup>3</sup>Dětská klinika, Lékařská fakulta Univerzity Palackého v Olomouci a Fakultní nemocnice Olomouc

<sup>4</sup>Ústav hematologie a krevní transfuze, Praha

*Transfuzní Hematol. dnes, 22, 2016, No. 3, p. 201–209*

## SOUHRN

Alfa-talasemie jsou nejrozšířenější monogenně dědičná onemocnění na světě. Jedná se o vrozené anémie s autozomálně recesivní dědičností charakterizované kvantitativní redukcí syntézy  $\alpha$ -globinových řetězců molekuly hemoglobinu. Společně s dalšími typy talasemií a se strukturálními hemoglobinovými variantami jsou řazeny do skupiny chorob s poruchou tvorby nebo struktury globinových řetězců – hemoglobinopatií. Výskyt většiny hemoglobinopatií je soustředěn především do malarických oblastí. Globinové mutace poskytují heterozygotním nosičům ochranu před malárií, pravděpodobně proto došlo v průběhu evoluce k selektivnímu zvýhodnění mutantních alel globinových genů v oblastech s vysokým výskytem malárie.

Alfa-talasemie jsou nejčastěji způsobeny delecemi úseků DNA v  $\alpha$ -globinovém lokusu na 16. chromozomu a vyznačují se mikrocytární hypochromní anémií s různými fenotypovými stupni závažnosti – od téměř asymptomatických forem až po život ohrožující hemolytické anémie. Jsou rozšířeny zvláště v jihovýchodní Asii, ve Středomoří, v Africe a Indii, ve střední Evropě jsou vzácné. Přesto i v našich zeměpisných šířkách je na přítomnost  $\alpha$ -talasemie nutné myslet jako na možnou příčinu vrozené mikrocytární anémie. Pro správnou diagnostiku  $\alpha$ -talasemií je nutný soubor hematologických, biochemických a molekulárně-genetických vyšetření. Cílem tohoto sdělení je upozornit na variabilní fenotyp a genotyp těchto onemocnění v České republice u českých rodin i rodin cizinců žijících v ČR.

## KLÍČOVÁ SLOVA

hemoglobinopatie –  $\alpha$ -talasemie – onemocnění HbH – molekulárně-genetická diagnostika

## SUMMARY

**Divoká M., Partschová M., Pospíšilová D., Orviská M., Lapčíková A., Indrák K., Čermák J., Divoký V.**

**Alpha-thalassemia in 45 Czech and 37 immigrant families: review of the literature and molecular diagnosis**

Alpha-thalassemia is the most common monogenic gene disorder in the world. It is an inherited autosomal recessive disorder characterized by reduced production of the  $\alpha$ -globin chains of hemoglobin. It belongs, together with other types of thalassemias and hemoglobinopathies, to common globin gene disorders widely distributed due to their natural selection through protection of carriers against severe malaria. Alpha-thalassemia most frequently results from deletions removing segments of DNA from the  $\alpha$ -globin gene cluster on chromosome 16 and is characterized by a microcytic hypochromic anemia, with a clinical phenotype varying from almost asymptomatic to a lethal hemolytic anemia. Alpha-thalassemia is especially frequent in populations originating from the South East Asia, Mediterranean region, Africa and Indian subcontinent, with rare occurrence in Central Europe. However, also in our region the presence of  $\alpha$ -thalassemia should be considered as a possible cause of hereditary microcytic anemia. Specialized diagnostic approaches that are needed for correct diagnosis of  $\alpha$ -thalassemia involve molecular analysis required to confirm the hematological and biochemical observations.

The aim of this study is to report the variable phenotype and genotype of these disease states in the Czech families and in immigrants living in the Czech Republic.

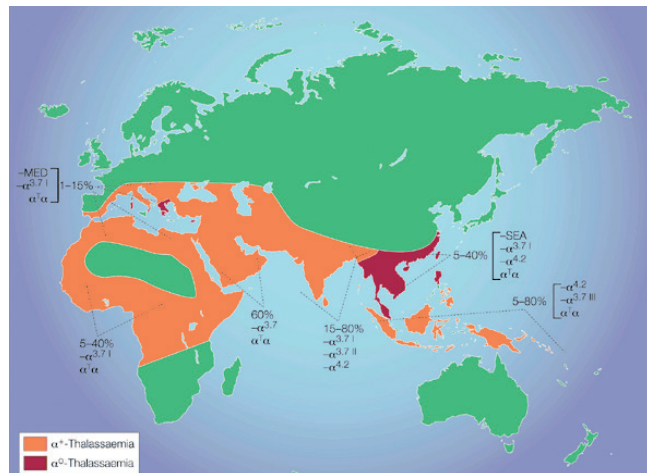
### KEY WORDS

hemoglobinopathy -  $\alpha$ -thalassemia - HbH disease - molecular diagnostics

## ÚVOD

Alfa-talazemie je nejrozšířenější monogenně dědičné onemocnění na světě, asi 5 % světové populace nese některou z  $\alpha$ -talasemických alel [1]. Alfa-talazemie, spolu s dalšími typy talasemií a s endemickými hemoglobinovými variantami byly selektovány v průběhu evoluce v malarických oblastech, neboť heterozygotům přináší výhodu v protekci proti malarickému parazitu *Plasmodium falciparum* (2; světovou distribuci  $\alpha$ -talasemií znázorňuje obr. 1). Talasemie i hemoglobinové varianty se mohou ovšem vyskytnout v každé etnické skupině a vzhledem ke vzrůstající migraci obyvatel se stále častěji rozšiřují do oblastí střední a severní Evropy, do severní Ameriky a také Austrálie. Právě ve střední Evropě bylo dříve toto onemocnění lékaři opomíjeno.

Díky historické i současné imigraci se talasemie a hemoglobinové varianty objevují stále častěji i v naší populaci. V České republice a na Slovensku jsou talase-



**Obr. 1.** Světová distribuce  $\alpha$ -talasemií

Je znázorněna distribuce nejčastějších delečních i nedelečních forem  $\alpha$ -talasemií. Charakteristika delečních forem vedoucích k  $\alpha^+$ -talasemii ( $-\alpha^{3.7}$ ;  $-\alpha^{4.2}$ ) a delečních forem vedoucích k  $\alpha^0$ -talasemii ( $-\text{MED}$ ;  $-\text{SEA}$ ) je uvedena v textu v části „Molekulární podstata  $\alpha$ -talasemií“. Nedeleční formy  $\alpha$ -talasemie jsou v obrázku označeny jako  $\alpha^1$ . Procenta poukazují na frekvenci  $\alpha$ -talasemických alel v populacích žijících v malarických oblastech. Převzato na základě svolení Macmillan Publishers Ltd: Nature Reviews Genetics (Weatherall DJ. Phenotype-genotype relationships in monogenic disease: lessons from the thalassaemias. Nat Rev Genet. 2001;2(4):245-55), copyright (2001).

mie nejčastější příčinou vrozené mikrocytární anémie [3], ale pozornost byla dosud věnována téměř výhradně  $\beta$ -talasemiím [3-6]. Alfa-talazemie byly dosud v ČR charakterizovány na molekulární úrovni jen výjimečně [3, 4]; v jednom případě se jednalo o nový unikátní molekulární mechanismus vedoucí k  $\alpha$ -talasemii [7, 8]. V tomto sdělení přinášíme přehled literatury a vlastní zkušenosti s diagnostikou  $\alpha$ -talasemických alel. Uvádíme variabilní fenotyp a molekulárně-genetickou analýzu těchto onemocnění u 45 rodin českého původu a 37 rodin cizinců žijících v České republice.

## GENOTYPOVÁ A FENOTYPOVÁ VARIABILITA $\alpha$ -TALASEMIÍ

Poměr  $\alpha$  a  $\beta$ -globinových řetězců v molekule hemoglobinu (Hb) je fyziologicky jedna ku jedné. Nerovnováha vzájemného poměru globinových řetězců je charakteristická pro talasemie;  $\alpha$ -talasemie se vyznačují redukovanou produkcí  $\alpha$ -globinových řetězců. Alfa-talazemie jsou většinou způsobeny delecí funkčních  $\alpha$ -globinových genů, méně často jsou  $\alpha$ -globinové geny inaktivovány bodovou mutací. Haploidní lidský genom má dva  $\alpha$ -globinové geny (obr. 2A), to znamená, že normální diploidní genotyp je  $\alpha\alpha/\alpha\alpha$ . Normální sada čtyř funkčních  $\alpha$ -globinových genů může být snížena o 1, 2, 3 nebo o všechny 4 kopie genu a z toho následně vyplývají rozdílné klinické projevy a zvyšující se závažnost onemocnění (obr. 2B). Míru snížené produkce  $\alpha$ -globinových řetězců z lokusu vyjadřuje označení  $\alpha^+$ -talasemie a  $\alpha^0$ -talasemie. U  $\alpha^+$ -talasemie je jen jeden ze dvou  $\alpha$ -globinových genů na chromozomu deletován ( $-\alpha/\alpha$ ) nebo inaktivován bodovou mutací ( $\alpha^{\text{ND}}/\alpha$ , kde ND značí „nondeletional“; dříve  $\alpha^T/\alpha$ ). U  $\alpha^0$ -talasemie jsou oba  $\alpha$ -globinové geny na chromozomu inaktivovány delecí nebo bodovou mutací. Stupeň mikrocytózy, hypochromázie a anémie závisí na počtu mutovaných  $\alpha$ -globinových genů a dobře koreluje s mírou redukce syntézy  $\alpha$ -globinových řetězců [1].

## KLINICKÉ FORMY $\alpha$ -TALASEMIÍ

Název  $\alpha$ -talasemie obecně zahrnuje všechna onemocnění s deficitem tvorby  $\alpha$ -globinových řetězců, které jsou součástí tetrametru Hb molekuly. Všechny



tinovou strukturu a transkripci různých genů, mezi nimi i  $\alpha$ -globinových genů. Mutace ATRX vedou ke globálnímu potlačení exprese těchto genů, mezi nimi i genů důležitých pro normální rozvoj CNS. U nás (v ČR nebo na Slovensku) jsme dosud ATR syndrom nedia- gnostikovali. Vzácné jsou získané formy  $\alpha$ -talasemie, asociované s myelodysplastickým syndromem (syn- drom ATMDS). Ve většině případů je ATMDS syndrom asociován se získanými mutacemi v ATRX genu [12].

### MOLEKULÁRNÍ PODSTATA $\alpha$ -TALASEMIÍ

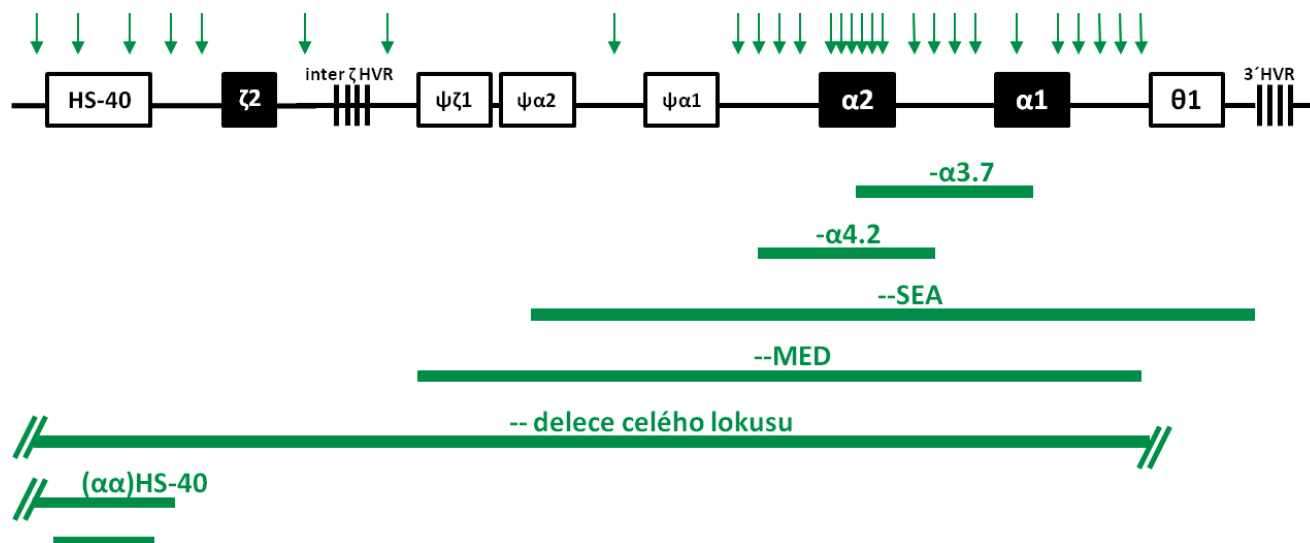
#### Deleční $\alpha^+$ -talasemie

Vzhledem k tomu, že dva  $\alpha$ -globinové geny v lokusu vznikly v evoluci duplikací, vyznačuje se tato oblast DNA několika homologiemi, které mohou vést k nerov- noměrným reciprokým rekombinacím (interchromozo- málně, méně často intrachromozomálně). Výsledkem je vznik alel s jedním funkčním  $\alpha$ -globinovým genem a alel s triplikací  $\alpha$ -globinových genů [13]. Vzniká tak velmi častá 3.7 kb dlouhá  $\alpha$ -talasemická delece (s variantami označovanými jako I, II a III lišícími se místem rekombinace), produkující chromozom pouze s jedním funkčním  $\alpha$ -genem ( $-\alpha^{3.7}$ ) (viz obr. 1, obr. 3) a  $\alpha$ -triplikovaná alela ( $\alpha\alpha\alpha^{\text{anti}3.7}$ ) bez talasemického efektu. Stejně tak reciproká rekombinace v průběhu meiózy mezi homologními segmenty DNA způsobuje běžnou 4.2 kb dlouhou deleci ( $-\alpha^{4.2}$ ) (viz obr. 1 a 3) a  $\alpha\alpha\alpha^{\text{anti}4.2}$  chromozom (13). Další případy rekombinací mezi takto vzniklými chromozomy ( $\alpha$ ,  $\alpha\alpha$  a  $\alpha\alpha\alpha$ ) pak mohou způsobit kvadruplikaci  $\alpha$  genů ( $\alpha\alpha\alpha\alpha$ ) nebo

kvintuplikaci ( $\alpha\alpha\alpha\alpha\alpha$ ) a další přeskupení [14]. Na rozdíl od delecí vedoucích k talasemickému fenotypu se samotné zmnožení  $\alpha$ -globinových genů u jinak zdravých jedinců klinicky většinou neprojevuje. Problém ovšem nastává u dvojitých heterozygotů pro alelu se zmno- ženými  $\alpha$ -globinovými geny a  $\beta$ -talasemickou alelu – dochází tak ke zvýšení nerovnováhy  $\alpha$  a  $\beta$  řetězců a ke zvýraznění chudokrevnosti, což bylo vzácně potvrzeno i u nemocných v ČR [6, 15].

#### Deleční $\alpha^0$ -talasemie

V současné době je známo asi 50 typů delecí HBA lokusu, které buď kompletně, nebo částečně deletují oba  $\alpha$ -globinové geny s následným zastavením syn- tézy  $\alpha$ -globinových řetězců *in vivo* [13]. Nejčastější jsou delece  $-\text{MED}$  rozšířená mezi populacemi ve Středomoří a  $-\text{SEA}$  vyskytující se převážně v jihovýchodní Asii [1] (viz obr. 1). Homozygoti pro tento typ delecí trpí Hb Bart's hydrops fetalis syndromem. Složení heterozygoti pro tento typ delece a delece pro  $\alpha^+$ -talasemii, která způsobí chybění jednoho  $\alpha$ -globinového genu, mají HbH onemocnění. Tyto zatím zmíněné typy delecí postihují pouze HBA lokus a vyskytují se i v ČR (viz níže). Jiné delece postihují i jiné přiléhající geny, což nemusí mít výrazný vliv na zhoršení fenotypu. Některé známé delece odstraňují i  $\zeta$ -gen současně s  $\alpha$ -geny, a i když heterozygoti vykazují normální vývoj, u homozygo- tů je nepravděpodobné přežití období časného stadia gravidity vzhledem k tomu, že ani embryonální ( $\zeta\gamma 2$ ) a ani fetální ( $\alpha 2\gamma 2$ ) hemoglobiny nemohou být synte-



**Obr. 3.** Schematické znázornění delecí HBA lokusu zjištěných v České republice u českých rodin a u rodin cizinců. Delece  $-\text{MED}$ , delece celého lokusu a různé dlouhé delece regulační oblasti HS-40 jsou u nás popsány poprvé v tomto sdělení. Vysvětlení genů a pseudogenu v lokusu – viz obr. 2A. HVR značí tzv. hypervariabilní oblasti v HBA lokusu. Vertikální šipky nad lokusem značí polohy MLPA prób použitých pro mapování delecí (viz Diagnóza a diagnostické metody).

**Tab. 1.** Přehled delecí forem  $\alpha$ -talasemii a multiplikací  $\alpha$ -globinových genů zjištěných v průběhu posledních 10 let v České republice. Je uveden celkový počet rodin a jedinců, za lomítkem počet českých rodin a počet členů těchto rodin z celkového počtu diagnostikovaných rodin/jedinců.

TYPY DELECÍ	POČET RODIN	POČET ČLENŮ
$-\alpha^{3,7}$ (z toho homozygotů)	46/30	51/34 (11/6)
$-\text{SEA}$	17 <sup>a</sup> /1	19 <sup>a</sup> /1
delece celého <i>HBA</i> lokusu	6/6	11/11
delece HS-40	4/3	6/4
kombinace delece HS-40/ $-\alpha^{3,7}$	1 <sup>b</sup>	1 <sup>b</sup>
kombinace $-\alpha^{4,2}/-\text{MED}$	1 <sup>c</sup>	1 <sup>c</sup>
delece $\alpha 2/\alpha 1$ (blíže nespecifikována)	3/3	3/3
duplikace celého <i>HBA</i> lokusu	1/1	1/1
kvadruplikace <i>HBA2</i> genu	1/1	3/3 <sup>d</sup>
CELKEM	80	96

<sup>a</sup>15 z těchto rodin (16 členů) bylo prokazatelně asijského původu; <sup>b</sup>pacient s italskými předky; <sup>c</sup>migrant ze severní Afriky žijící v ČR; <sup>d</sup>u všech členů rodiny byla kvadruplikace *HBA2* genu asociována s  $\beta^0$ -talasemickou mutací, což vedlo k fenotypu talasemie intermedia u těchto nemocných [6].

tizovány [13]. Tyto typy delecí byly zjištěny i v české populaci (viz níže).

Vzácné delece vedoucí k  $\alpha^0$ -talasemii odebírají regulační oblast HS-40, která se nachází 40 kb 5' od  $\zeta$ -globinového genu (viz obr. 2A), přičemž zanechávají  $\alpha$ -globinové geny intaktní. HS-40 je esenciální pro  $\alpha$ -globinovou expresi, delece této oblasti vede k úplné ztrátě exprese  $\alpha$ -globinových genů v poloze *cis*. Fenotyp je tedy shodný jako u vzácných delecí celého *HBA* lokusu. Tyto delece se sporadicky vyskytují v různých populacích [10], vzácně i u českých rodin (viz níže, obr. 3, tab. 1).

Vznik  $\alpha$ -talasemie způsobené zastavením transkripce neaktivním chromatinem u polské rodiny žijící v České republice byl popsán jako nový mechanismus vzniku tohoto onemocnění [16]. Delece dlouhá 18 kb zahrnuje  $\alpha 1$  gen a přilehlou 3'oblast a způsobí utlumení exprese  $\alpha 2$  globinového genu v poloze *cis*. Díky delecí se do lokusu přemístí represivní chromatin, který zastaví  $\alpha 2$  transkripci [7, 8]. Heterozygoti pro tuto mutaci trpí mírnou hypochromní mikrocytární anémií, mají snížený poměr syntézy  $\alpha/\beta$  globinových řetězců a HbH inkluze v erytrocytech.

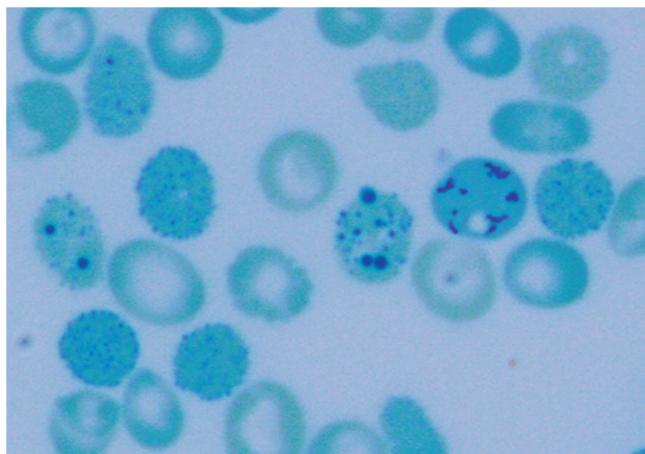
### Nedeleční formy $\alpha$ -talasemie ( $\alpha^{\text{ND}}$ )

Alfa-talasemie jsou častěji způsobeny genovými delecemi, bodové mutace (jednonukleotidové záměny) vedoucí k  $\alpha$ -talasemii jsou vzácnější [10, 13]. Alfa-globinové geny mutované v kanonických sekvencích *HBA1* a *HBA2* ovlivňujících  $\alpha$ -globinovou genovou expresi se označují jako ( $\alpha^{\text{ND}}$  nebo dříve  $\alpha^{\text{T}}$ ); bodová talasemická mutace může postihnout  $\alpha 2$  ( $\alpha^{\text{ND}}\alpha$ ) nebo  $\alpha 1$  ( $\alpha\alpha^{\text{ND}}$ ) globinový gen. Většina těchto mutací ovlivňuje úpravu (přepis a post-transkripční zpracování) mRNA, mRNA translaci nebo  $\alpha$ -globinovou stabilitu. Bodové mutace

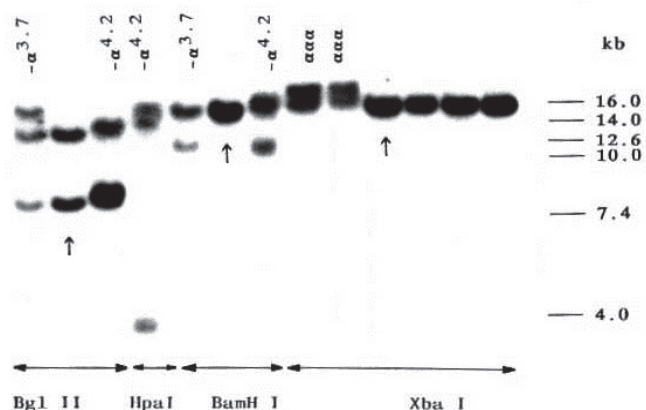
mohou vést k částečnému ( $\alpha^+$ ) nebo úplnému ( $\alpha^0$ ) utlumení genové exprese, respektive produkce funkčních  $\alpha$ -globinových řetězců. Je známo několik desítek bodových mutací způsobujících  $\alpha$ -talasemii; mnohé z nich jsou běžné i ve Středomoří a na Blízkém východě (obr. 1) a lze je tedy očekávat i v české a slovenské populaci. Aktualizovaný seznam těchto mutací je dostupný v databázi HbVar, <http://globin.cse.psu.edu/hbvar>. Některé bodové mutace v terminačním kodonu vedou k prodlouženým Hb variantám s talasemickým fenotypem, jako např. Hb Constant Spring, nejběžnější nedeleční  $\alpha$ -talasemická mutace častá zvláště v některých oblastech jihovýchodní Asie. Jiné mutace způsobují vysoce nestabilní  $\alpha$ -globinové varianty, např. Hb Adana (10). Nedávno byla popsána odchylka jednoho nukleotidu v negenové oblasti globinového klastru, která vede k novému molekulárnímu mechanismu vzniku  $\alpha$ -talasemie (17). Jedná se o záměnu v sekvenci regulačního jednonukleotidového polymorfismu (SNP, "Single Nucleotide Polymorphism"), kterou se vytváří nový transkripčně aktivní promotor v normálně transkripčně neaktivní oblasti  $\psi\zeta 1$ . Tato abnormální transkripční aktivace interferuje a zeslabuje expresi  $\alpha$ -globinových genů.

### Diagnóza a diagnostické metody

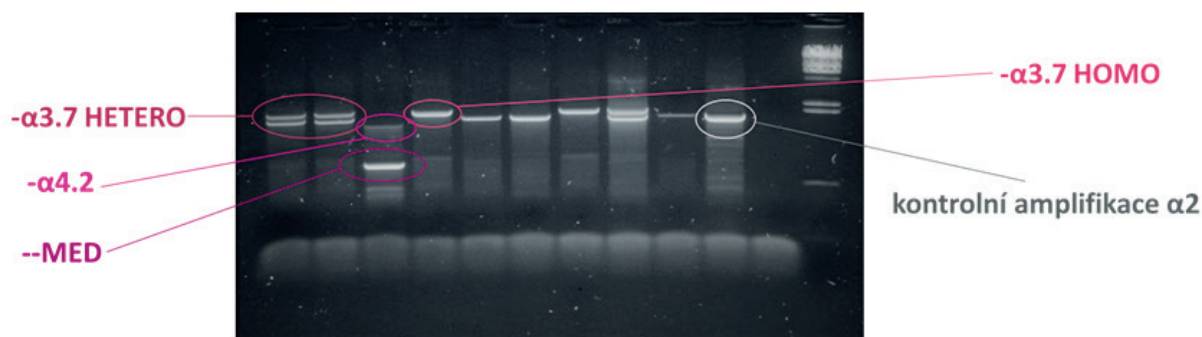
Iničiální laboratorní testování by mělo zahrnovat kompletní krevní obraz s popisem červených krvinek, bioanalytické testy zahrnující měření hladiny HbA<sub>2</sub>, HbF a elektroforézu Hb. Dříve bylo pro potvrzení  $\alpha$ -talasemie nezbytné měření poměru syntézy  $\alpha/\beta$  globinových řetězců radioaktivně značeným leucinem; redukovaný poměr na méně než ~0,8 svědčil pro  $\alpha$ -talasemii [18]. V současné době převažují molekulární analýzy, které potvrdí podezření na  $\alpha$ -talasemii. Elektroforéza Hb slouží



**Obr. 4A.** Diagnostika  $\alpha$ -talasemických delecí  
Precipitovaný HbH lze v erythrocytech prokázat inkubací s brilliant-kresylovou modří, po obarvení jsou patrné inkluze tvořené shlukem volných  $\beta$ -globinových řetězců v erythrocytu.



**Obr. 4B.** Diagnostika  $\alpha$ -talasemických delecí  
Výsledek Southern blot analýzy prokazující dvě nejčastější  $\alpha^+$ -talasemické delecce ( $-\alpha^{3.7}$ ;  $-\alpha^{4.2}$ ) a triplikaci  $\alpha$ -globinových genů.



**Obr. 4C.** Diagnostika  $\alpha$ -talasemických delecí  
Výsledek multiplexního PCR v agarózovém gelu prokazující dvě nejčastější  $\alpha^+$ -talasemické delecce ( $-\alpha^{3.7}$ ;  $-\alpha^{4.2}$ ) a  $\alpha^0$ -talasemickou delecí  $-\text{MED}$ .

k separaci abnormálních hemoglobinových frakcí, je důležitá mimo jiné pro detekci Hb variant s  $\alpha$ -talasemickým fenotypem. Precipitovaný HbH lze v erythrocytech prokázat inkubací s brilliant-kresylovou modří (obr. 4A).

### MOLEKULÁRNÍ ANALÝZA

Molekulární diagnostice napomáhá etnický původ vyšetřovaných jedinců; rozdílné spektrum  $\alpha$ -talasemických mutací bývá nalézáno v rozdílných populacích. Dříve byla většina přeskupení HBA genů v rámci HBA lokusu charakterizována pomocí Southern blotu (obr. 4B). V současné době existují rychlé screeningové metody pro detekci delecí a jiných změn v HBA lokusu.

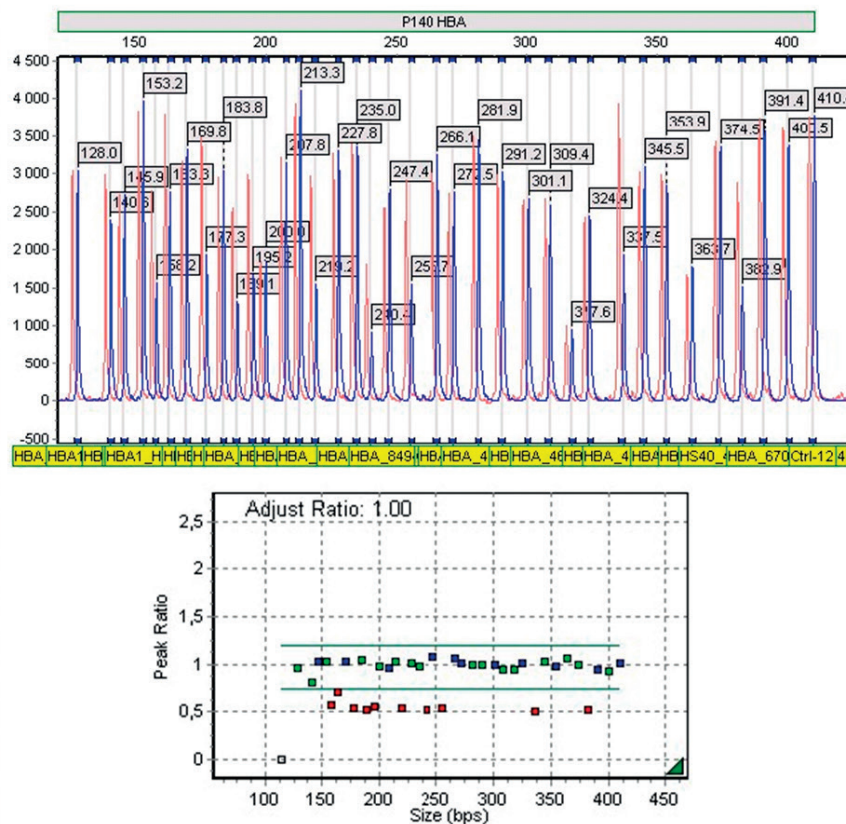
Pro detekci sedmi nejčastějších  $\alpha$ -talasemických delecí bylo vytvořeno multiplexní PCR [19] (obr. 4C). Tato metoda se používá pro určení dvou nejčastějších  $\alpha^+$ -talasemických delecí ( $-\alpha^{3.7}$ ;  $-\alpha^{4.2}$ ) a dalších 5  $\alpha^0$ -talasemických delecí, mezi nimi  $-\text{MED}$  a  $-\text{SEA}$ .

Novější MLPA (Multiplex Ligation-dependent Probe Amplification) je založena na ligaci více párů prob (obvykle dlouhých), které hybridizují napříč k analyzované oblasti. Následuje semikvantitativní amplifikace s použitím univerzálních tag PCR primerů a poté fragmentační analýza (obr. 4D). Tato metoda je hodnotnou alternativou k Southern blotu a doplňkovou k multiplexní PCR při zjišťování jak známých tak neznámých delecí způsobujících  $\alpha$ -talasemii [20].

### DIFERENCIÁLNÍ DIAGNOSTIKA

V některých případech mají nosiči  $\alpha^+$ -talasemie normální hematologické výsledky, speciálně nosiči  $-\alpha^{3.7}$  delecce a nosiči nedelečních mutací v  $\alpha 1$  genu. Někteří jedinci mohou mít normocytózu nebo hraniční hypochromazii bez anémie. Tato skutečnost může být zjištěna pouze náhodně při rutinní molekulární analýze pro záchyt hemoglobinopatií.

	Probe Name	Bin Size	HBA
1	Ctrl-01	115.0	0
2	Ctrl-02	146.0	2
3	Ctrl-03	170.0	2
4	Ctrl-04	208.0	2
5	Ctrl-05	247.0	2
6	Ctrl-06	266.0	2
7	Ctrl-07	272.0	2
8	Ctrl-08	301.0	2
9	Ctrl-09	325.0	2
10	Ctrl-10	354.0	2
11	Ctrl-11	391.0	2
12	Ctrl-12	410.0	2
13	HBA1_HBA2_ex	141.0	2
14	HBA1_HBA2_ex	164.0	1
15	HBA2_intron-2a	158.0	1
16	HBA2_intron-2b	241.0	1
17	HBA_4622_L400	345.0	2
18	HBA_4624_L400	291.0	2
19	HBA_4625_L400	318.0	2
20	HBA_4626_L474	189.0	1
21	HBA_4627_L400	200.0	2
22	HBA_4628_L400	228.0	2
23	HBA_4637_L401	184.0	2
24	HBA_4638_L401	282.0	2
25	HBA_4639_L402	309.0	2
26	HBA_4926_L401	364.0	2
27	HBA_6707_L629	401.0	2
28	HBA_8488_L841	374.0	2
29	HBA_8491_L841	195.0	1
30	HBA_8492_L841	213.0	2
31	HBA_8493_L841	219.0	1
32	HBA_8494_L841	256.0	1
33	HBA_8497_L842	337.0	1
34	HBA_8499_L842	153.0	2
35	HBA_ConSprnght	128.0	2
36	HS-40	177.0	1
37	HS40_4800_L41	383.0	1
38	POLR3K	235.0	2



**Obr. 4D.** Diagnostika  $\alpha$ -talasemických delecí

Výsledek MLPA prokazující delecí regulační oblasti HS-40 a  $\alpha^+$ -talasemickou delecí  $-\alpha^{3,7}$ , které u složeného heterozygota vedou k chorobě HbH. Další informace k dané technologii a způsobu analýzy výsledků jsou dostupné na [www.mlpa.com](http://www.mlpa.com), produkt SALSA MLPA P140 HBA probemix. V případě podezření na bodovou mutaci (nedeleční mutaci) se rutinně používá sekvenování *HBA1* a *HBA2* genů.

Příležitostně, speciálně v zemích, kde je talasemie vzácná, mohou být nosiči  $\alpha$ -talasemie nesprávně označeni za pacienty s anémií z nedostatku železa, zvláště pokud není status železa u pacienta správně zhodnocen. Vždy je nutná molekulární analýza, zvláště u tichého nosičství nebo nosičství  $\alpha$ -talasemie k potvrzení diagnózy, protože i nosiči  $\alpha$ -talasemické alely můžou vykazovat vyšší riziko přetížení organismu železem [21].

### VÝSKYT $\alpha$ -TALASEMIÍ V ČESKÉ REPUBLICĚ - PŘEHLED LITERÁRNÍCH ÚDAJŮ

Alfa-talasemie byly považovány v České republice za velmi vzácné; jen několik případů bylo charakterizováno na molekulární úrovni tradiční metodou Southernova přenosu a hybridizace [3, 4]. Kromě  $-\alpha^{3,7}$  delecí zjištěné u několika jedinců byl u jedné rodiny polského původu žijící v ČR popsán již zmíněný nový

typ unikátní delecí 18 kb DNA postihující  $\alpha 1$  gen a přilehlou 3'-oblast, která vedla překvapivě k utlumení exprese  $\alpha 2$  globinového genu v poloze *cis*, tj. k fenotypu, který je asociován s  $\alpha$ -tal-1 genotypem [16]. Bylo zjištěno, že 18 kb delecí přemístila do klastru represivní chromatin, který spolu s protismyslnými transkripty přilehlého genu (gen, jenž je přepisován proti směru exprese  $\alpha$ -globinových genů) zastaví  $\alpha 2$  transkripci [7, 8]. Vzácně byly také detekovány triplikace  $\alpha$ -globinových genů [3, 4], někdy vedoucí ke zhoršení klinického projevu  $\beta$ -talasemie [22].

### DIAGNOSTIKA $\alpha$ -TALASEMIÍ V ČESKÉ REPUBLICĚ - NOVÉ VÝSLEDKY

V průběhu posledních 10 let došlo k významnému rozšíření spektra  $\alpha$ -talasemických mutací i počtu molekulárně-geneticky diagnostikovaných jedinců v ČR. Ke

zpřesnění diagnostiky přispělo využití nových molekulárně-genetických přístupů – multiplexní PCR a MLPA pro diagnostiku delečních forem  $\alpha$ -talasemií a sekvenční analýzy HBA genů pro nedeleční formy  $\alpha$ -talasemií. V souboru 82 rodin (98 členů) s podezřením na  $\alpha$ -talasemii jsme odhalili u 78 rodin (92 jedinců) různé delece v rámci HBA lokusu; 45 rodin (53 jedinců) bylo českých, bez předků z malarických oblastí nejméně ve třech generacích rodu, ostatní byli cizinci žijící v ČR (viz tab. 1). U dvou jiných českých rodin (4 jedinců) jsme odhalili multiplikaci  $\alpha$ -globinových genů (viz tab. 1) a u dalších dvou imigrantů jsme odhalili nedeleční  $\alpha$ -talasemickou mutaci. Většina diagnostikovaných jedinců měla mírnou mikrocytární hypochromní anémii, s normálními hladinami HbA2 a HbF, se standardní elektroforézou Hb a mírně zvýšeným počtem erytrocytů. Pro možnou přítomnost  $\alpha$ -talasemické alely svědčil rodinný výskyt fenotypu, v případě rodin cizinců i etnický původ. Ve většině případů se jednalo o tiché nosičství nebo nosičství  $\alpha$ -talasemie, s běžnými typy delecí jednoho nebo dvou  $\alpha$ -globinových genů, které jsou známé ze Středozeří nebo z jihovýchodní Asie (viz obr. 1 a 3). Rozsáhlé delece celého HBA lokusu, včetně regulační oblasti HS-40, byly detekovány u 6 českých rodin (11 členů) s klinickými projevy odpovídajícími nosičství  $\alpha$ -talasemie (jednalo se vesměs o heterozygoty, viz tab. 1). U 4 rodin (z nich 3 českého původu) jsme detekovali různě dlouhé delece regulační oblasti HS-40, ale s intaktními  $\alpha$ -globinovými geny (viz obr. 3), s fenotypem odpovídajícím ztrátě dvou  $\alpha$ -globinových genů (nosičství  $\alpha$ -talasemie) u 5 jedinců, a u 1 pacientky jedné rodiny s klinickými projevy odpovídajícími ztrátě tří  $\alpha$ -globinových genů (choroba HbH). Molekulární analýzou této pacientky s italskými předky jsme zjistili, že fenotyp HbH onemocnění je u ní způsoben inaktivací dvou  $\alpha$ -globinových genů zmíněnou delecí HS-40 na jednom chromozomu v kombinaci s delecí jednoho  $\alpha$ -globinového genu ( $-\alpha^{3,7}$ ) na druhém chromozomu. Stejně závažný fenotyp, tj. chorobu HbH, jsme detekovali u imigranta ze severní Afriky, u kterého byl příčinný genotyp kombinací dvou častých delecí ze Středozeří ( $-\alpha^{4,2}/-$   $-\text{MED}$ ) (viz tab. 1).

Nedeleční formy  $\alpha$ -talasemie jsme zatím diagnostikovali jen u dvou imigrantů žijících v ČR, u obou se jednalo o mutaci HBA2:c.95+2\_95+6delTGAGG, označovanou také jako  $\alpha$ -thal-2 (-5nt) (23), která se běžně vyskytuje ve Středozeří.

## ZÁVĚR

První systematická molekulárně-genetická analýza  $\alpha$ -talasemií v ČR provedená na selektovaném souboru 82 rodin (98 jedinců) odhalila novými diagnostický-

mi přístupy 92 jedinců ze 78 rodin s delecemi v rámci HBA lokusu; 45 rodin (53 jedinců) bylo prokazatelně českého původu. Další 2 české rodiny (4 členové) měli v genotypu multiplikaci  $\alpha$ -globinových genů a u dalších dvou imigrantů byla odhalena nedeleční  $\alpha$ -talasemická mutace. U většiny diagnostikovaných jedinců s  $\alpha$ -talasemií minor (37 cizinců/35 Čechů), byly nalezeny delece a u 2 cizinců bodové mutace  $\alpha$ -globinových genů běžné v malarických oblastech. Vzácně jsme odhalili rozsáhlé delece celého HBA lokusu nebo delece regulační oblasti lokusu HS-40, ale s intaktními  $\alpha$ -globinovými geny; tyto typy delecí byly častěji zjištěny u českých rodin než u imigrantů. Podobné typy delecí jsou velmi sporadicky detekovány v různých populacích, včetně původních obyvatel západní a severní Evropy. U 3 českých rodin nebylo možné delecí HBA klastru blíže specifikovat. Prioritně byl v ČR charakterizován genetický podklad dvou pacientů s onemocněním HbH, první měl italské předky, druhý byl imigrant z Afriky. Heterogenita  $\alpha$ -talasemií je v ČR zřejmě daleko větší než se dosud soudilo. Navíc,  $\alpha$ -talasemické alely budou se stupňující se migrací v ČR postupně přibývat, a s tím bude stoupat i nutnost jejich přesné diagnostiky založené na molekulárně-genetických analýzách.

## Seznam použitých zkratk

Hb	– hemoglobin
ND	– „nondeletional“, nedeleční
kb	– kilobáze
ATR	– „ $\alpha$ -thalassemia with mental retardation“
SNP	– „Single Nucleotide Polymorphism“, jednonukleotidový polymorfismus
PCR	– polymerázová řetězová reakce
MLPA	– „Multiplex Ligation-dependent Probe Amplification“

## LITERATURA

1. Piel FB, Weatherall DJ. The  $\alpha$ -thalassemias. *N Engl J Med* 2014; 371(20): 1908–1916.
2. Weatherall DJ, Williams TN, Allen SJ, O'Donnell A. The population genetics and dynamics of the thalassemias. *Hematol Oncol Clin North Am* 2010; 24(6): 1021–1031.
3. Indrák K, Divoký V, Brabec V, et al. Molekulárně genetická charakteristika  $\alpha$ ,  $\alpha$  a  $\alpha\alpha$  thalassemií u 139 heterozygotů z 56 nepříbuzných rodin českého a slovenského původu. *Vnitř Lék* 1993; 39(10): 969–978.
4. Indrák K, Brabec V, Indrakova J, et al. Molecular characterization of  $\alpha$ -thalassemia in Czechoslovakia. *Hum Genet* 1992; 88(4): 399–404.
5. Divoký V., Walczysková S, Pospíšilová D, et al. Některé vzácnější formy hereditárních anémií vyskytující se v dospělé populaci v ČR a SR –  $\alpha$ -talasemie a nestabilní hemoglobinové varianty. *Vnitř Lék* 2005; 51: 741–748.

6. Divoka M, Partschova M, Kucerova J, et al. Molecular Characterization of  $\beta$ -Thalassemia in the Czech and Slovak Populations: Mediterranean, Asian and Unique Mutations. *Hemoglobin* 2016; 1-7. DOI: 10.3109/03630269.2016.1152581.

7. Barbour VM, Tufarelli C, Sharpe JA, et al.  $\alpha$ -thalassemia resulting from a negative chromosomal position effect. *Blood*, 2000; 96(3): 800-807.

8. Tufarelli C, Stanley JA, Garrick D, et al. Transcription of antisense RNA leading to gene silencing and methylation as a novel cause of human genetic disease. *Nat Genet* 2003; 34(2): 157-165.

9. Divoký V, Indrák K, Mojžízková R. Hemoglobinopatie: talasémie a strukturální Hb varianty. In: *Molekulární hematologie*. Praha: Galén, 2013, s. 270-283. ISBN 978-80-7262-942-8.

10. Hartevelde CL, Higgs DR. Alpha-thalassaemia. *Orphanet J Rare Dis* 2010; 5: 13. DOI: 10.1186/1750-1172-5-13.

11. Chui DH. Alpha-thalassemia: Hb H disease and Hb Barts hydrops fetalis. *Ann N Y Acad Sci* 2005; 1054: 25-32.

12. Higgs DR, Buckle VJ, Gibbons R, Steensma D. Unusual Types of  $\alpha$ Thalassemia. In Steinberg MH, Forget BG, Higgs DR, Weatherall DJ. (Eds). *Disorders of hemoglobin: genetics, pathophysiology and clinical management*, 2nd edition. Cambridge: Cambridge University Press, 2009, s. 296-320.

13. Higgs DR. The molecular basis of  $\alpha$  thalassemia. In Steinberg MH, Forget BG, Higgs DR, Weatherall DJ. (Eds). *Disorders of hemoglobin: genetics, pathophysiology and clinical management*, 2nd edition. Cambridge: Cambridge University Press, 2009, s. 241-265.

14. Lam KW, Jeffreys AJ. Processes of de novo duplication of human  $\alpha$ -globin genes. *Proc Natl Acad Sci USA* 2007; 104(26): 10950-10955.

15. Indrak K, Fei YJ, Li HW, et al. A Czechoslovakian teenager with Hb E- $\beta^0$ -thalassemia [IVS-I-1 (G→A)] complicated by the presence of an  $\alpha$ -globin gene triplication. *Ann Hematol* 1991; 63(1): 42-44.

16. Indrak K, Gu YC, Novotny J, Huisman TH. A new alpha-thalassemia-2 deletion resulting in microcytosis and hypochromia and in vitro chain imbalance in the heterozygote. *Am J Hematol*, 1993; 43(2): 144-145.

17. De Gobbi M, Viprakasit V, Hughes JR, et al. A regulatory SNP causes a human genetic disease by creating a new transcriptional promoter. *Science* 2006; 312(5777): 1215-1217.

18. Clegg JB, Weatherall DJ. Haemoglobin synthesis in alpha-thalassaemia (haemoglobin H disease). *Nature* 1967; 215: 1241-1243.

19. Chong SS, Boehm CD, Higgs DR, Cutting GR. Single-tube multiplex-PCR screen for common deletion determinants of  $\alpha$ -thalassemia. *Blood* 2000; 95(1): 360-362.

20. Hartevelde CL, Voskamp A, Phylipsen M, et al. Nine unknown rearrangements in 16p13.3 and 11p15.4 causing alpha- and beta-thalassaemia characterised by high resolution multiplex ligation-dependent probe amplification. *J Med Genet* 2005; 42(12): 922-931.

21. Sulovska L, Holub D, Zidova Z, et al. Characterization of iron metabolism and erythropoiesis in erythrocyte membrane defects and thalassemia traits. *Biomed Pap Med Fac Univ Palacky Olomouc Czech Repub* 2015. DOI: 10.5507/bp.2015.054. [Epub ahead of print]

22. Indrak K, Fei Y-J, Li H-W, et al. A Czechoslovakian teenager with Hb E- $\beta^0$ -thalassemia [IVS-I-1 (G→A)] complicated by the presence of an  $\alpha$ -globin gene triplication. *Ann Hematol* 1991; 63(1): 42-44.

23. Orkin SH, Goff SC, Hechtman RL. Mutation in an intervening sequence splice junction in man. *Proc Natl Acad Sci USA* 1981; 78(8): 5041-5045.

#### Podíl autorů na rukopisu

- DM - napsání rukopisu, provádění analýz, interpretace výsledků, příprava finální verze rukopisu
- PM - provádění analýz, revize rukopisu
- PD - léčba pacientů, připomínkování rukopisu
- OM - analýzy patientských vzorků
- LA - analýzy patientských vzorků
- IK - léčba pacientů, připomínkování rukopisu
- ČJ - léčba pacientů, připomínkování rukopisu
- DV - příprava finální verze rukopisu, interpretace výsledků

#### Poděkování

Lékařům hematologických pracovišť v České republice a na Slovensku za poskytnutí patientských vzorků a za spolupráci.

Tato práce byla podpořena granty IGA\_LF\_2016\_001 a IGA\_LF\_2016\_014.

#### Čestné prohlášení autora

Autor práce prohlašuje, že v souvislosti s tématem, vznikem a publikací tohoto článku není ve střetu zájmů a vznik ani publikace článku nebyly podpořeny žádnou farmaceutickou firmou. Toto prohlášení se týká i všech spoluautorů.

*Doručeno do redakce dne 18. 5. 2016.*

*Přijato po recenzi dne 22. 6. 2016.*

**RNDr. Martina Divoká**  
Hemato-onkologická klinika, Lékařská fakulta  
Univerzity Palackého a FN Olomouc  
Hněvotínská 3  
775 15 Olomouc  
email: martina.divoka@fnol.cz